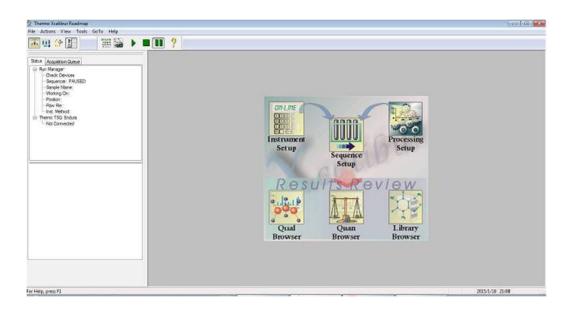
Xcalibur 定量数据处理流程



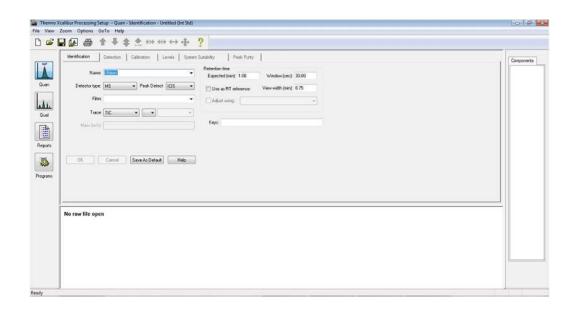
点击桌面上的

图标,进入 Xcalibur 工作站的主界面

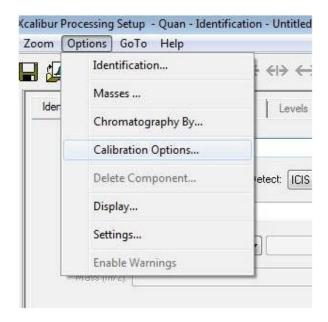




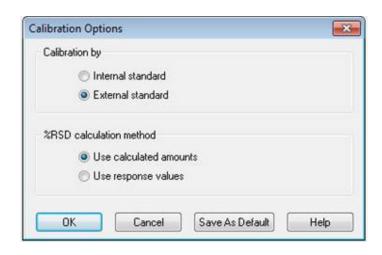
点击 Setup , 进入处理方法设置界面:



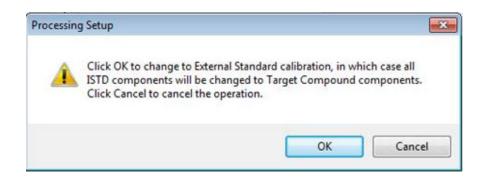
选择菜单 "Options" 选项中的 "Calibration Options", 见下图:



出现如下对话框:

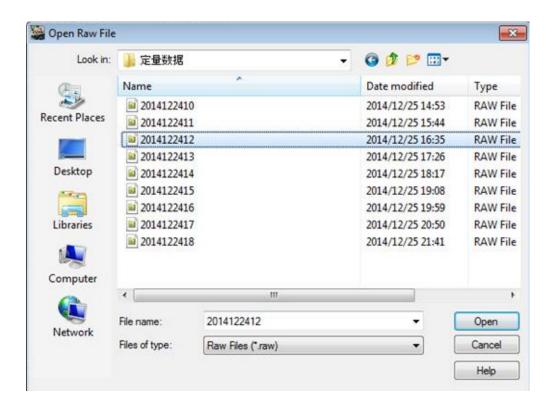


选择定量方法: Inernal standard (内标法)或 External standard (外标法)。(注: 软件默认为内标法,本教材示例为外标法,选择 External standard),出现如下对话框,提示方法更改为外标法:



点击 "OK"。

点击 , 打开一张标准品的数据文件:



在界面左下窗口出现总离子流图,开始设置各参数:

在"Identification"中,设置提取组分色谱峰的相关参数:

Name: 键入组分名称 Detector: 选择 MS

Filter: 下拉选择对应组分的 Scan Event Mass(m/z): 键入定量子离子的质荷比

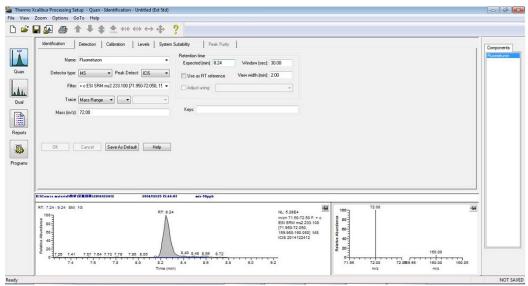
Peak Detect: 选择色谱峰积分方式 ICIS 或 Genesis

Retention Time 栏:

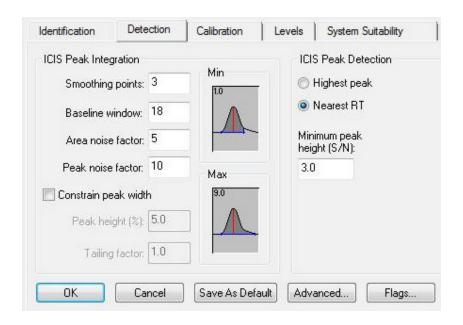
Expected(min): 键入组分的保留时间 Window(sec): 可容忍的时间偏差窗口

View Width(min): 色谱图可视时间宽度

点击 "OK",组分 Fluometuron 的色谱峰被提取出来,变为灰色,见下图



在"Detection"中,设置色谱峰积分参数:



在"ICIS Peak Integration"中,设置各积分参数,让色谱峰积分合理,见上图

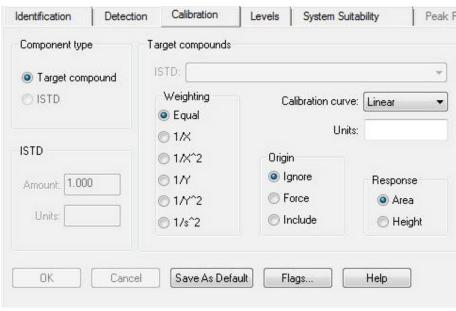
Smoothing Points:键入平滑点数Baseline Window: 基线宽度Area Noise Factor:面积噪音Peak Noise Factor: 峰噪音

在"ICIS Peak Detection"中,设置其他参数:

选择"Nearest RT"

Min Peak Height(S/N): 键入最小峰高

点击 "OK", 进入 "Calibration" 界面, 设置 "Calibration" 参数:



Component Type: 若为外标法,该组分只能定义为 Target Compound (目标待测物);

若为内标法,选择该组分是 Target Compound 或 ISTD (内标物)

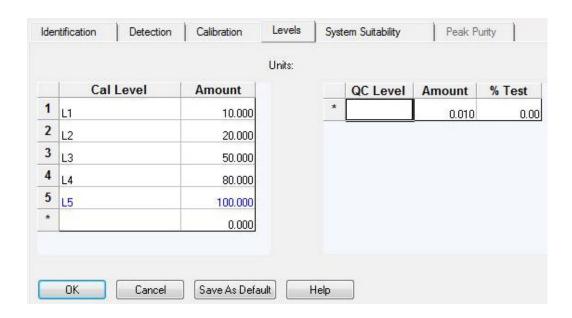
ISTD: 若为内标法,"Amount"中键入内标物加入的量,"Unit"中键入内标物的单位,若为外标法,此处不可选。

Target Compound: 若为内标法,在 ISTD 中下拉选择待测物对应的内标物; 若为外标法,此处不可选。

Calibration Curve Type: Linear (线性回归)
Origin: 选择忽略原点,强制过原点,包含原点

Response: Area (面积) Weighting: Equal (权重)

点击 "OK", 进入 "Level" 界面, 设置 "Level" 参数:



设置标准曲线的几个浓度点:在"Cal Level"中键入每个浓度点的标示(可用任意数字或字母),在"Amount"中键入每个水平的浓度。

如果有 QC 样品,在 "QC Level"中键入 QC 样品的浓度水平,并在 "Amount"中键入每个水平的浓度, "%Test"键入占测试样品的比例。

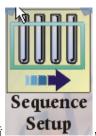
点击 "OK", 组分 Fluometuron 的设置完成。

回到"Identification"界面,若为多组分定量,在"Name"中下拉选择"New"(如下左图),进入空白界面,按照以上设置 Fluometuron 的步骤设置另一个待测组分的定量方法。待所有组分均设置好后,右侧的 Component 栏中就会列出所有待测组分,如下右图:





点击 , 定义文件的存储路径及文件名, 保存 process method。



回到 Xcalibur 工作站的主界面,点击

, 进入序列表的编辑界面:

	Sample Type	File Name	Path	Inst Meth	Proc Meth	Position	Inj Vol	Level
1	Std Bracket	2014122410	D:\Course material		D:\test1	1	10.00	L1
2	Std Bracket	2014122411	D:\Course material		D:\test1	1	10.00	L2
3	Std Bracket	2014122412	D:\Course material		D:\test1	1	10.00	L3
4	Std Bracket	2014122413	D:\Course material		D:\test1	1	10.00	L4
5	Std Bracket	2014122414	D:\Course material		D:\test1	1	10.00	L5
6	Unknown	2014122415	D:\Course material		D:\test1	1	10.00	
7	Unknown	2014122416	D:\Course material		D:\test1	1	10.00	
8	Unknown	2014122417	D:\Course material		D:\test1	1	10.00	
9	Unknown	2014122418	D:\Course material		D:\test1	1	10.00	
*							0.00	

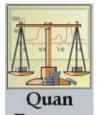
可调用之前进样时的序列,也可以手动将要处理的数据逐一添加至序列表。在"Sample Type"中下拉选择样品的类型(Std Bracket:标准品,Unkown:未知样,Blank:空白,QC:质控样品),在"Proc Meth"中调入之前保存的 process method,在"Level"中下拉选择每个标准品对应的 Level,在"File"菜单栏选择"Save as"存储此序列文件。



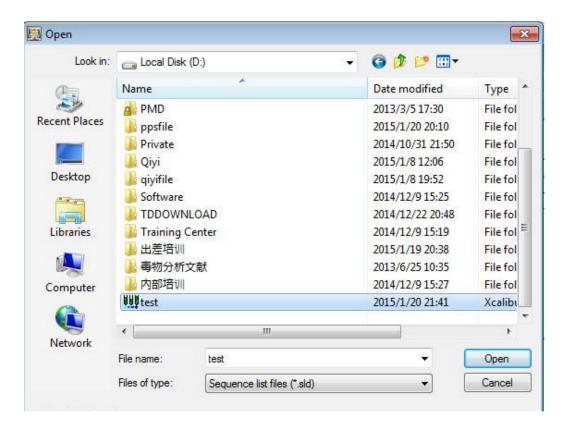
点击 OK, 开始进行数据批处理, 此时会出现图标完成。



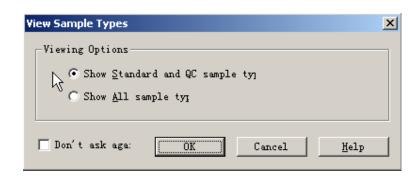
,待该图标消失,批处理



回到 Xcalibur 工作站的主界面,点击 **Browser** ,进入定量浏览界面: 跳出一个对话框,调出以上存储的序列文件(如下图),点击 "Open"。



跳出如下对话框:



选择"Show All sample type", 定量处理完成, 见下图:

